

Dali Yahia R^{1,2}, Abbas SL², Maazouz I^{1,2}, Azzouz A², Oulha T², Benattou M², Yazi L²

1 Université Oran 1 Ahmed Benbella, Faculté de Médecine
2 Etablissement Hospitalier et Universitaire d'Oran

Introduction

- Les Bactéries Hautement Résistantes aux antibiotiques (BHR) sont un problème majeur de santé publique.
- Les options thérapeutiques sont très limitées et le risque de l'impasse thérapeutique est important.
- Parmi les *Enterobacteriales*, la plasticité du génome de *K.pneumoniae* en fait l'entérobactérie la plus concernée par les mécanismes de résistance émergents.
- Actuellement *K.pneumoniae* résistante aux carbapénèmes diffuse mondialement.
- Diverses enzymes identifiées : OXA-48, NDM-1, VIM, KPC.

Objectifs

- Les objectifs de ce travail étaient :
 - de faire l'état des lieux des ABRI, des EPC et des ERG isolés à l'EHU d'Oran chez les patients hospitalisés entre 2019 et 2023.
 - d'identifier les gènes de résistance et la clonalité des souches de *K.pneumoniae* carbapénémase isolées Entre 2019 et 2021.

Méthodes

- Il s'agit d'une étude descriptive réalisée au service de bactériologie de l'EHU d'Oran sur toutes les souches isolées chez les patients hospitalisés à partir des prélèvements à visée diagnostique entre janvier 2019 et décembre 2023.
- Les tests de sensibilité aux antibiotiques ont été réalisés conformément à la standardisation nationale selon les normes du CLSI.
- L'étude moléculaire des gènes de la résistance aux antibiotiques et le typage moléculaire par ERIC PCR ont été réalisés sur les souches de *K.pneumoniae* carbapénémase isolées entre 2019 et 2021 selon des protocoles validés.

Résultats

Entre 2019 et 2023, sur 10669 isolats cliniques 939 étaient des BHR soit 8,8% dont 668 ABRI, 257 EPC (244 KpC + 12 *E.coli* + 01 *P.rettgeri*) et 13 ERV.

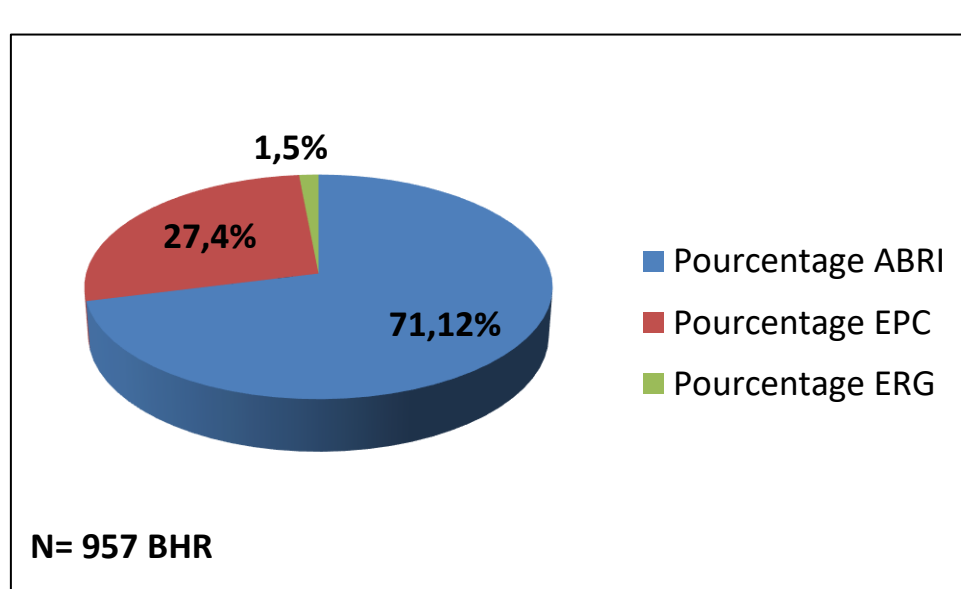


Figure 1: Fréquence des ABRI, EPC et ERG 2019-2023

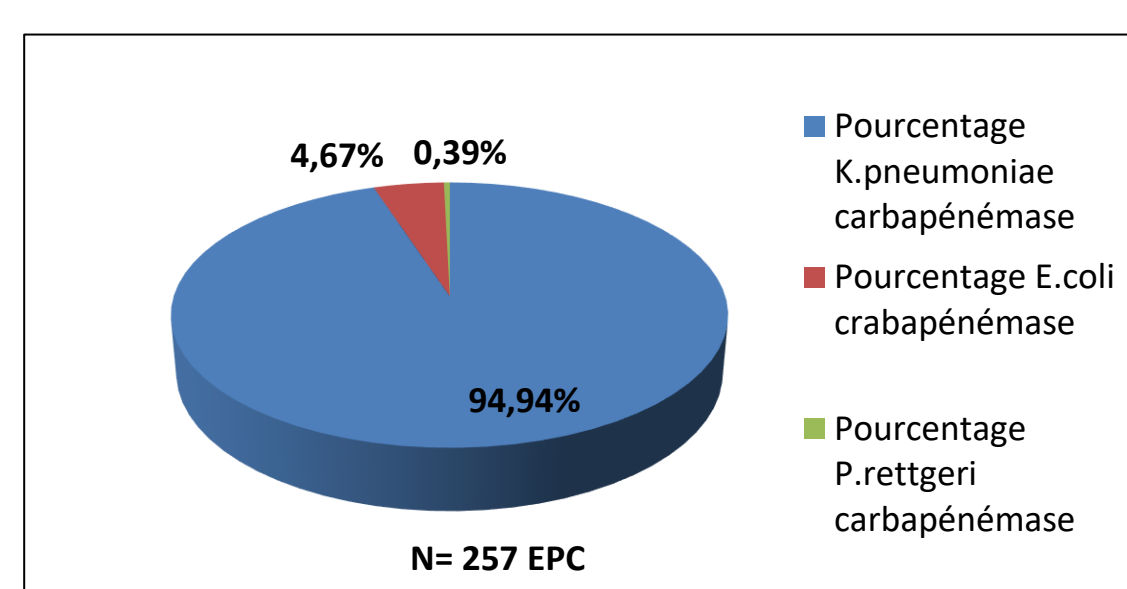


Figure 2: Répartition des EPC selon l'espèce 2019-2023

Année	Nombre total des <i>A.baumannii</i>	Résistance à l'imipénème	
		Nombre R+I	Pourcentage
2019	122	92	76,66 %
2020	118	94	81,03 %
2021	140	128	92,75 %
2022	165	143	89,37 %
2023	242	211	94,61 %
total	787	668	88,24 %

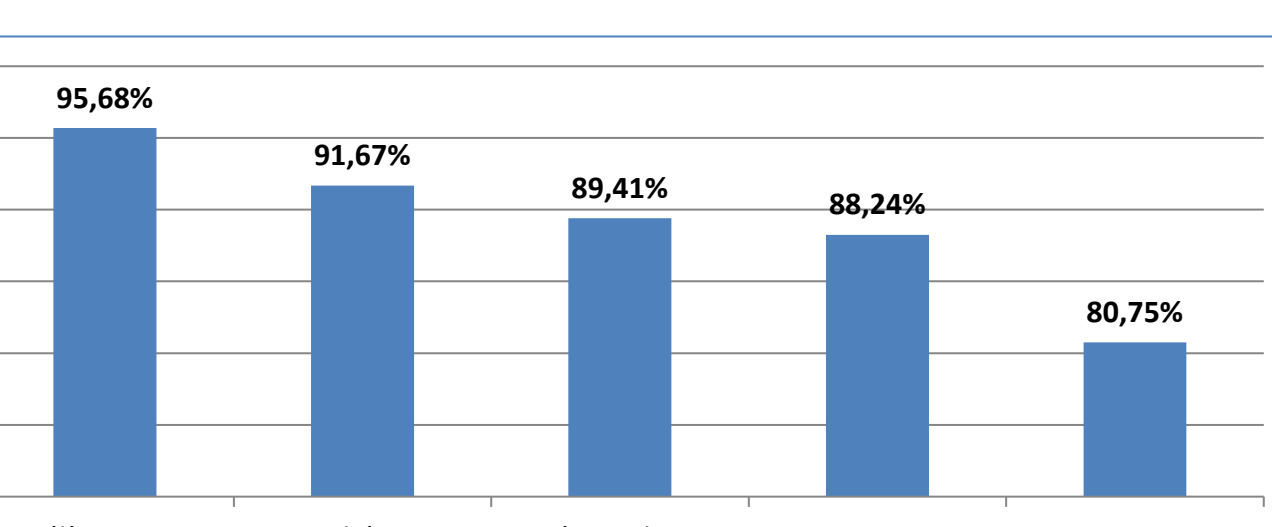


Figure 4: Répartition des ABRI selon le type de prélèvement 2019-2023

Année	Nombre total des <i>k.pneumoniae</i>	Résistance aux carbapénèmes		
		R + I	Pourcentage	Pourcentage des Carba +
2019	226	06	2,66 %	02,21 %
2020	206	15	7,31 %	06,79 %
2021	304	47	15,56 %	14,14 %
2022	348	76	22,22 %	18,67 %
2023	424	126	31,81 %	27,59 %
Total	1508	270	17,9%	16,18 %

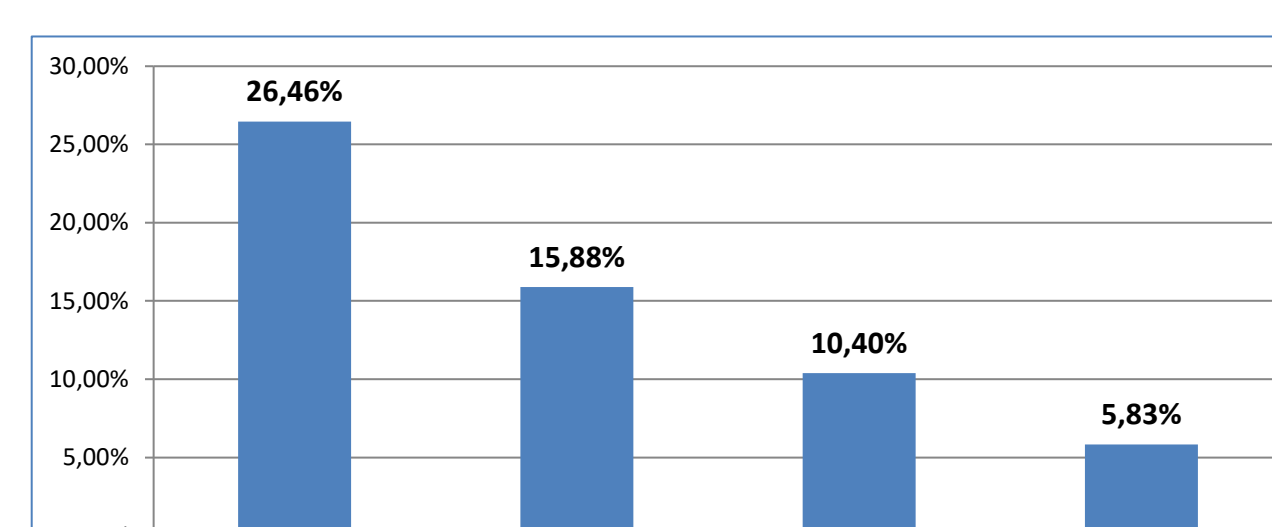


Figure 5: Répartition des KpC selon le type de l'activité 2019-2023

Année	Nombre <i>Enterococcus sp</i>	Résistance à la vancomycine	
		Nombre <i>E.faecium</i> R+I	Pourcentage ERG
2019	184	02	1,83 %
2020	164	05	3,08 %
2021	170	00	00 %
2022	139	02	1,52 %
2023	139	04	2,87 %
total	797	14	1,75 %

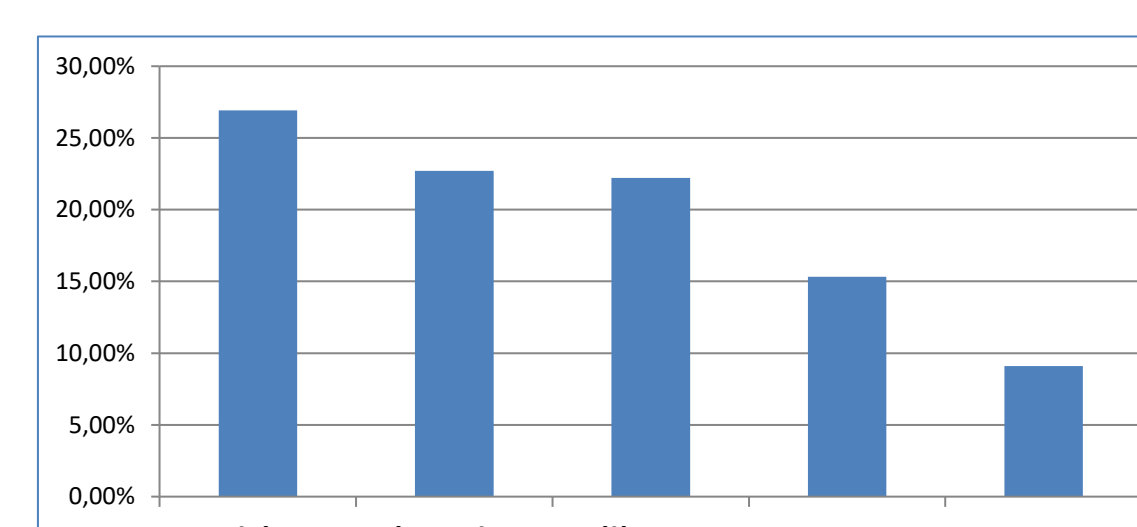


Figure 6: Répartition des KpC selon le type de prélèvement 2019-2023

Chez les souches résistantes à la colistine, aucun des gènes de la résistance à la colistine recherchés (*mcr1-6*) n'a été retrouvé.

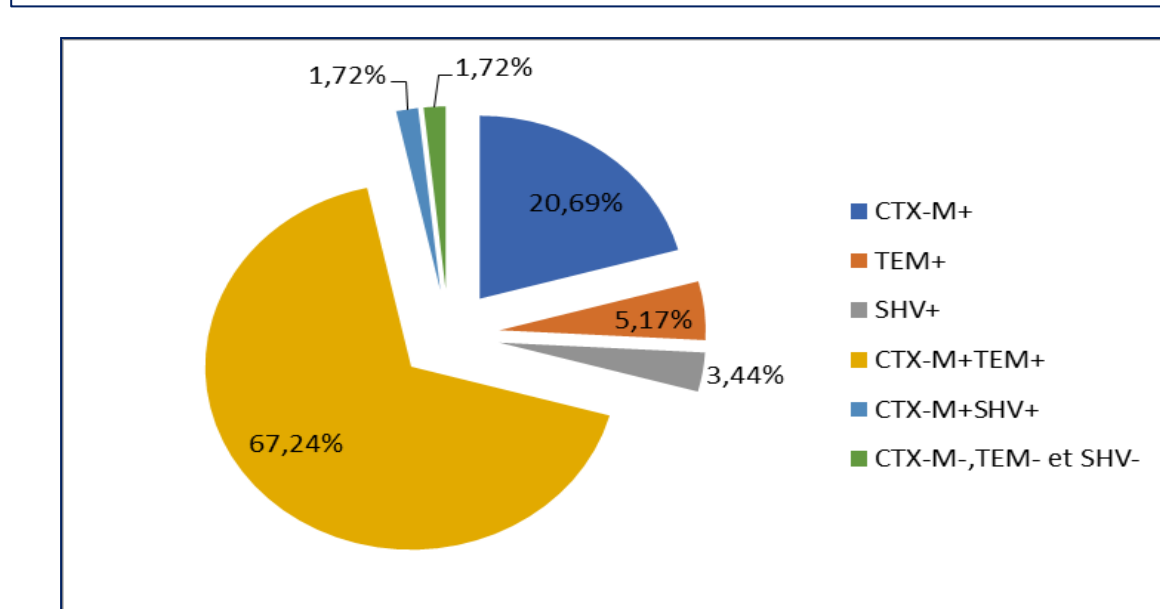


Figure 7: Pourcentages des gènes BLSE (N K.pneumoniae carbapénémase=58)

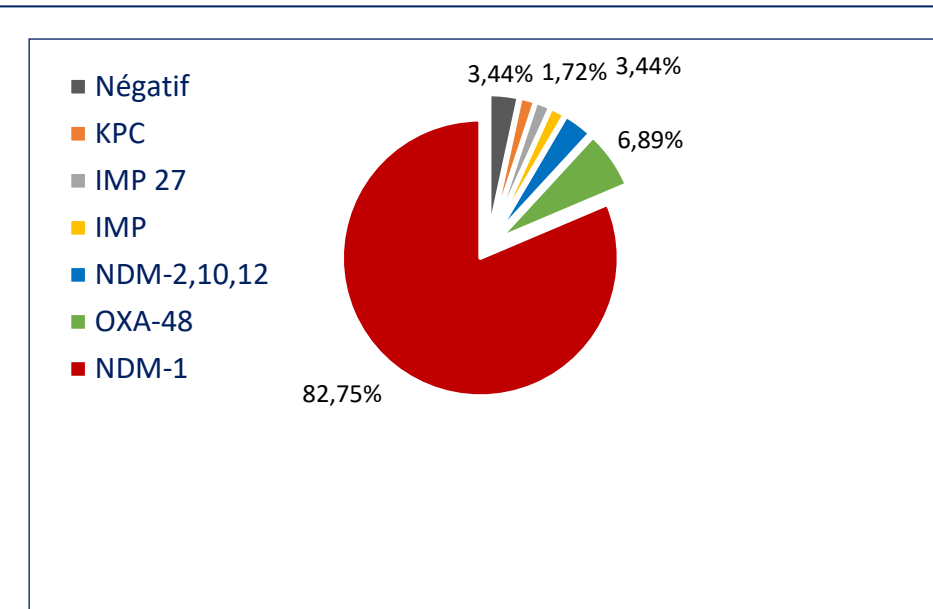


Figure 8: Pourcentages des gènes carbapénémases (N K.pneumoniae carbapénémase=58)

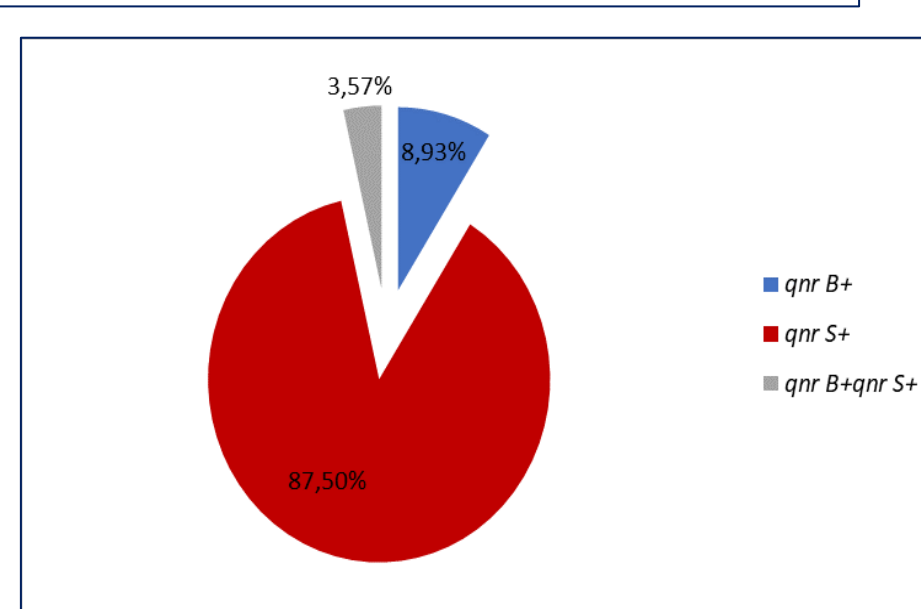


Figure 9: Pourcentages des gènes de la résistance aux fluoroquinolones qnr (N K.pneumoniae carbapénémase=56)

